

KAOUACHE Saliha/biotechnologie végétale et amélioration/Semestre 6/Bioinformatique/SECTION 01								
Matricule	Note	Absent	Absence Justifiée	Observation	Section	Groupe		
232334007804	10.0					SECTION 01/Groupe 01		
181834005422	7.5					SECTION 01/Groupe 01		
232334064002	10.5					SECTION 01/Groupe 01		
191934008918	0.75					SECTION 01/Groupe 01		
232334007014	10.0					SECTION 01/Groupe 01		
222234027713	14.0					SECTION 01/Groupe 01		
232334027318	7.5					SECTION 01/Groupe 01		
232334005319	16.5					SECTION 01/Groupe 01		
212134013288	11.5					SECTION 01/Groupe 01		
212134003191	6.0					SECTION 01/Groupe 01		
222234016218	1.0					SECTION 01/Groupe 01		
232334077220	4.5					SECTION 01/Groupe 01		
222234069612	10.5					SECTION 01/Groupe 01		
222234065502	15.5					SECTION 01/Groupe 01		
232334038804	9.75					SECTION 01/Groupe 01		
232334077113	9.25					SECTION 01/Groupe 01		
222234069802	11.0					SECTION 01/Groupe 01		
232334030518	13.0					SECTION 01/Groupe 01		
232334028810	12.0					SECTION 01/Groupe 01		
222234039002						SECTION 01/Groupe 01		
191934001140						SECTION 01/Groupe 01		
232334070410	13.75					SECTION 01/Groupe 01		
232334008609	14.25					SECTION 01/Groupe 01		
232334072608	8.75					SECTION 01/Groupe 01		
232334045206	5.75					SECTION 01/Groupe 01		
232334008402	5.25					SECTION 01/Groupe 01		
232334052801	2.5					SECTION 01/Groupe 01		
212134007234	10.5					SECTION 01/Groupe 01		
222234052614	9.0					SECTION 01/Groupe 01		
222234289201	9.5					SECTION 01/Groupe 01		
232334065818	9.5					SECTION 01/Groupe 01		

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

--	--	--	--	--	--	--	--	--

الأستاذة : كعواش صليحة

Bioinformatique (L3 biotechnologie v.):

المقياس
محضر تقييم الأعمال التطبيقية

الترتيب	رقم التسجيل	10/02/202	17/02/202	24/02/202	03/03/202	10/03/202	17/03/202	7/04/2025	14/04/202	14/04/202	14/04/202	14/04/202	نقطة الحضور / 5	نقطة العمل الفردي/10	نقطة امتحان التطبيق/5	علامة التقييم المستمر
1	232334007804		x		x		x		x			x	5	6.75	3.75	15.5
2	181834005422															
3	232334064002						x		x			x	3	7	3.5	13.5
4	191934008918		x	x									2	5		7
5	232334007014		x	x	x		x		x			x	5	6.75	1.75	13.5
6	222234027713		x	x	x		x		x			x	5	7.75	4	16.75
7	232334027318		x				x		x			x	4	7.25	3.25	14.5
8	232334005319		x	x	x		x		x			x	5	7.5	3.5	16
9	212134013288		x	x	x				x			x	4	7.25	2.25	13.5
10	212134003191				x				x			x	3	7	3.75	13.75
11	192134013055															
12	222234016218				x				x			x	3	7	3.75	13.75
13	232334077220		x		x							x	3	5	3	11
14	222234069612		x	x	x				x			x	4	7.25	3	14.25
15	222234065502		x	x	x				x			x	4	7	2	13
16	232334038804		x	x	x		x		x			x	5	7.75	2	14.75
17	232334077113		x	x	x		x		x			x	5	7.25	3.5	15.75
18	222234069802		x	x	x		x		x			x	5	7.25	2.5	15.75
19	232334030518		x	x	x		x		x			x	5	7.75	1.5	14.25
20	232334028810		x	x	x		x		x			x	5	7.75	2.75	15.5
21	222234039002															
22	191934001140															
23	232334070410	x	x	x	x		x		x			x	5	7.25	1.75	14
24	232334008609	x	x	x	x		x		x			x	5	7.25	2	14.25
25	232334072608	x	x	x	x		x		x			x	5	7.75	1.25	14
26	232334045206	x	x	x	x		x		x			x	5	7.25	2.25	14.5
27	232334008402	x	x	x	x		x		x			x	5	7.5	3.25	15.75
28	232334052801	x	x	x	x		x		x			x	5	7.75	3	15.75
29	212134007234	x	x	x	x		x		x			x	5	7.5	2	14.5
30	222234052614	x	x	x	x		x		x			x	5	7.5	3.25	15.75
31	222234289201	x	x	x	x		x		x			x	5	7.5	2.75	15.25
32	232334065818	x	x	x	j		x		x			x	4.5	7.25	2.5	14.25
33	222234059212	x	x	x	x		x		x			x	5	7.5	1	13.5
34	232334063805	x	x	x	x		x		x			x	5	7.5	3.5	16
35	222234027816	x	x	x	x		x		x			x	5	7.25	2.25	14.5
36	212134000840	x	x	x	x		x		x			x	5	7.5	2	14.5
37	202034002743	x	x	x	x		x		x			x	4	7.25	2.25	13.5
38	232334008410	x	x	x	x		x		x			x	5	7.25	2.75	15
39	222234038108	x	x	x	x		x		x			x	5	7.25	2.5	14.25
40	232334044514	x	x	x	x		x		x			x	5	7.25	2.5	14.75

كعواش صليحة



1-Définition :La bioinformatique est une approche de la biologie complémentaire aux approches classique de la biologie , permet de formaliser des problèmes de biologie moléculaires, proposer et développer des modèles , méthodes et outils. **3 pts**

2- le but de la méthode Dot-Plot: Déterminer combien d'exons comporte un gène en le comparant avec son ARN messager afin d'avoir une idée de la taille des introns et des exons. **2 pts**

3- les catégories des matrices protéiques :2 pts

Liées a l'évolution ex PAM250 et Blossum 62

Liées aux caractères phisico- chimique

4- les erreurs de la réplication de l'ADN : insertion, délétion et substitution 1.5 pts

6-Exercice: Etant donné les séquences protéiques suivantes : Séq1 : NPTKASE et Séq 2 : DSTRGG

A partir de l'algorithme de needleman et Wunsch avec $p = -1$

Matrice transformée **4.5 pts**

		N	P	T	K	A	S	E
	0	-1	-2	-3	-4	-5	-6	-7
D	-1	2	1	0	-1	-2	-3	-3
S	-2	1	3	2	1	0	0	-1
T	-3	0	2	6	5	4	3	-2
R	-4	-1	1	5	9	8	7	6
G	-5	-2	0	4	8	10	9	8
G	-6	-3	-1	3	7	9	11	10

$$S(i,j) = \text{Max} \begin{cases} S(i,j) + S(i-1,j-1) \\ S(i-1,j) + p \\ S(i,j-1) + p \end{cases}$$

L'alignement **1 pt**

N P T K A S E
D S T R G G -

ST = 2+1+3+3+1+1-1 = 10

Indel 1 similarité 1 substitution 5

0.5 Pt

Exercice 2 Soit la matrice transformée de deux séquences protéique fictives suivantes :

	Indel après B			Indel après E			
Indel après H		A	B	C	D	E	F
	H	20	19	7	6	6	2
	U	15	15	10	9	4	-2
	V	8	9	14	9	3	-3
	W	6	7	9	11	8	-2
	X	2	4	8	9	9	7
	Y	2	3	2	2	8	-4
	Z	2	-2	-3	-4	-2	5

Le parcours 2 pts

L'alignement : 1pts

A B - C D E - F

H - U V W X Y z

Indel ;3 identité ,

substitution 5, score 60 0.5pts